

## Pētījumā “Sakņu piepes *Heterobasidion* spp. izplatība un citu sēņu sabiedrības parastās egles audzēs uz bijušajām lauksaimniecības zemēm” paveiktais 2020. gada pirmajā ceturksnī

2020. gada pirmajā ceturksnī veiksmīgi uzsākta sadarbība ar igauņu kolēģiem Tartu universitātē, kā arī Igaunijas Dabas zinātņu universitātē. Mobilitātes brauciena ietvaros amplificēts DNS no 372 koksnes paraugiem un 31 augsnes parauga sēņu sabiedrību analīzei 20–40 gadus vecās egļu audzēs bijušajās lauksaimniecības un meža zemēs. Iegūtie dati tiks analizēti kopā ar līdzīga pētījuma datiem no Igaunijas, kas cels pētījuma mērogu un analizētā materiāla apjomu. Pēc DNS amplificēšanas paraugi sagatavoti nākamās paaudzes sekvenčēšanai, un jau marta beigās saņemti pirmie rezultāti.

Ar ģenētiskajām metodēm identificēti ievāktie sakņu piepes izolāti no inficētajām egļu audzēm bijušajās lauksaimniecības zemēs. Secināts, ka šajās audzēs infekciju izraisījusi sakņu piepes suga *Heterobasidion parviporum* (skat. attēlu). Pārskata periodā strādāts pie šī pētījuma datu apkopošanas un publikācijas sagatavošanas.



Visbeidzot – tieši pirms COVID-19 pandēmijas sākuma – vēl iespējams apmeklēt Freie Universitātes rīkotos kursus “Physalia course 16 S/ITS METABARCODING OF MICROBIAL COMMUNITIES” Vācijā

([http://www.silava.lv/userfiles/file/2019\\_Postdoc\\_Klavina/2020\\_03\\_16\\_relize.pdf](http://www.silava.lv/userfiles/file/2019_Postdoc_Klavina/2020_03_16_relize.pdf)). Šie kursi kalpos kā labs sākumpunkts iegūto lielapjoma ģenētisko datu sekmīgai analīzei.